

標 題 : Gut Microbiota Bacterial Species Associated with Mediterranean Diet-Related Food Groups in a Northern Spanish Population
北部スペイン住民で腸内微生物相の細菌種は
地中海食事-関連の食品群と関連する

著 者 : C. Rosés, et al. (スペイン バルセロナ自治大学
Servei de Genòmica i Bioinformàtica)

掲 載 誌 : Nutrients. 2021 Feb 16; 13(2): 636.

要 旨 :

地中海食事(MD)は世界中で最も健康的な食事の一つとして認められ、そしてそれは心臓血管疾患および代謝性疾患の予防と関連している。

食事習慣は、宿主の健康状態に対して重要な役割を演じると思われる腸内微生物相の最も強い調整因子の一つと考えられる。

本研究の目的は、腸内微生物相の組成と Obekit コホートからのスペイン成人 360 人 (正常体重、過体重および肥満の参加者) の習慣的な食事摂取との、間の相互作用的な関連を評価することであった。

食事摂取および地中海食事順守の試験を実施し、そして各参加者から糞のサンプルを採取した。

糞の 16S rRNA(リボソームのリボ核酸)の遺伝子シーケンシングを実施して、食事習慣と照合した。

メタゲノムシーケンスは、種の分類レベルでの分析に適用される統計的な手法である。

この研究の結果が、地中海食事の高い順守の人々に多い複数の有益な細菌を確認した。

ビフィドバクテリウム・アニマリスは、地中海食事との関連が最も強い種であった。

一部の SCFA(短鎖脂肪酸)生成細菌も、地中海食事と関連した。

結論として、地中海食事、繊維、豆類、野菜、果物、およびナッツの摂取は、*Roseburia faecis*、*Ruminococcus bromii*、および *Oscillospira (Flavonifractor) plautii* などの酪酸塩-生成分類群の増加と関連する。

キーワード : ビフィドバクテリウム・アニマリス、腸内微生物相、肥 満、短鎖脂肪酸
